

姓 名: 赵嫚

性 别: 女

工作部门: 生物工程学院

技术职称: 讲师

最高学位: 博士

民 族: 汉族

籍 贯: 安徽宿州

联系方式:

Email: mzhaoy@zjut.edu.cn

电 话: 0571-88320781



主要研究方向:

1. 高效生物催化剂的开发，手性催化技术和酶学性质研究
2. 植物基因功能进化，植物基因家族的分子进化和功能歧化探究

目前研究项目:

1. 大豆脂肪酸脱氢酶 FAD2 家族酶活性差异的进化与功能研究 国家自然科学基金青年基金 20 万 主持 2017.01-2019.12;
2. 浙江省科技厅农业重大科技专项子课题 22.5 万 主持 2016.01-2020.12;
3. 油料种子中 FAD2 酶活性差异的分子进化机制研究 浙江省自然科学基金青年基金 5 万 主持 2017.01-2019.12;
4. 浙江省择优资助博士后项目 3 万 主持 2016.05-2018.12;
5. 氧化还原酶法不对称合成泛酸的探究 企业横向 100 万，主要参与人 (2) 2016.05-2018.12;
6. 典型人工纳米材料干扰拟南芥生长繁殖及其与除草剂的复合毒理 国家自然科学基金面上基金

78万 主要参与人 (3) 2016.01-2019.12;

发表的论文、专著、教材：

1. **Zhao Man**, Gao Liang, Zhang Li, Bai Yanbin, Chen Liang, Yu Meilan, Cheng Feng, Sun Jie, Wang Zhao, Ying Xiangxian*. Asymmetric reduction of ketopantolactone using a strictly (*R*)-stereoselective carbonyl reductase through efficient NADPH regeneration and the substrate constant-feeding strategy, *Biotechnology Letters*, 2017, doi 10.1007/s10529-017-2415-1.
2. **Zhao Man***, Ying Xiangxian, Sun Jie, Wang Zhao*. Molecular evolution of *Coq1* gene family in eukaryotes, *Journal of Systematics and Evolution*, 2017, doi: 10.1111/jse.12250.
3. **Zhao Man**, Gu Yongzhe, He Lingli, Chen Qingshan, He Chaoying*. Sequence and expression variations suggest an adaptive role for the *DAI*-like gene family in the evolution of soybeans, *BMC Plant Biology* 2015, 15:120.
4. **Zhao Man**, He Lingli, Gu Yongzhe, Wang Yan, Chen Qingshan, He Chaoying*. Genome-wide analyses of a plant-specific LIM-domain gene family implicate its evolutionary role in plant diversification, *Genome Biology and Evolution*, 2014, 6(4):1000-1012.
5. Gong Peichang#, **Zhao Man**#, He Chaoying*. Slow co-evolution of the MAGO and Y14 protein families is required for the maintenance of their obligate heterodimerization mode, *PLoS One*, 2014, 9(1): e84842.
6. Sun Jie, Chen Liang, Lou Bo, Bai Yanbing, Yu Xinjun, **Zhao Man**, Zhao Wang*. Acetylation and deacetylation for sucralose preparation by a newly isolated *Bacillus amyloliquefaciens* WZS01. *Journal of Bioscience and Bioengineering*, 2017, 5:576-580.
7. Zhang Jisi#, Li Zhichao#, Zhao Jing, Zhang Shaohua, Quan Hui, **Zhao Man**, He Chaoying*. Deciphering the *Physalis floridana double-layered-lantern1* mutant provides insights into functional divergence of the *GLOBOSA* duplicates within the Solanaceae, *Plant Physiology*, 2014, 164: 748-764.
8. He Lingli, **Zhao Man**, Wang Yan, Gai Junyi, He Chaoying*. Phylogeny, structural evolution and functional diversification of the plant *PHOSPHATE1* gene family: a focus on *Glycine max*, *BMC Evolutionary biology*, 2013, 13(103): 1-13. 2013-5-24.
9. Zhao Jing#, Tian Ying#, Zhang Jisi, **Zhao Man**, Gong Peichang, Riss Simone, Saedler Rainer, He Chaoying*. The euAP1 protein MPF3 represses *MPF2* to specify floral calyx identity

and displays crucial roles in chinese lantern development in *Physalis*, the Plant Cell, 2013, 25(6): 2002-2021.

教材:《生命科学概论》第三版, 科学出版社, 2017年 参编

科研成果及专利:

研究生培养等教学情况:

每年培养研究生 1-2 名

主讲: 植物生物技术, 生物学实验, 生命科学概论等课程

奖励和荣誉:

2016年 浙江省高校第九届青年教师教学技能竞赛特等奖

2016年 浙江工业大学第十届青年教师教学技能比赛十佳青年教师

其他:

欢迎各位有兴趣的同学加入课题组共同学习!